**Tabla 4: Regiones genómicas relacionadas con el número de nacidos totales, genes candidatos y número de SNPs significativos en esas regiones genómicas.**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 1 | 5 | 30514848 | 31892716 | 5 | 5 | CNTNAP4, RF00100, ENSOCUG00000029408\*, MON1B, ENSOCUG00000025010 |
| 2 | 6 | 3200073 | 4209651 | 2 | 3 | ENSOCUG00000012346, ENSOCUG00000023572, ATF7IP2 |
| 3 | 7 | 32797819 | 34917238 | 5 | 4 | ENSOCUG00000020149, CACNA2D1, HGF, RF00026 |
| 4 | 7 | 36849750 | 38365733 | 5 | 5 | ENSOCUG00000023288, MAGI2, RF00420, ENSOCUG00000024397, PHTF2 |
| 5 | 10 | 30636140 | 31636140 | 1 | 10 | GLCCI1, RF00026, ENSOCUG00000029141, RPA3, MIOS, ENSOCUG00000000464, COL28A1, RF00100, ENSOCUG00000026002, ASNS |
| 6 | 13 | 9494904 | 11370371 | 4 | 9 | RF00591, ENSOCUG00000024194, MIR153-2, ENSOCUG00000000064, UBE3C, ENSOCUG00000016044, ENSOCUG00000004071, LMBR1, RNF32 |
| 7 | 17 | 22326611 | 23978938 | 4 | 15 | ATP8B4, ENSOCUG00000018378, DTWD1, FAM227B, FGF7, ENSOCUG00000025020, GALK2, ENSOCUG00000029607, COPS2, SECISBP2L, SHC4, EID1, CEP152, RF00438, FBN1 |
| 8 | 17 | 26149432 | 27350206 | 5 | 12 | ENSOCUG00000022037, RF00410, ENSOCUG00000014347, BLOC1S6, ENSOCUG00000013499,  |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Continuación de la tabla 4**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 8 | 17 | 26149432 | 27350206 | 5 | 12 | SLC30A4, ENSOCUG00000029216, ENSOCUG00000025852, SPATA5L1, GATM, SHF, SLC28A2 |
| 9 | 17 | 41109517 | 42580820 | 5 | 66 | RNASE4, ENSOCUG00000021547, ENSOCUG00000026377, RNASE6, RNASE1, ENSOCUG00000007497, ENSOCUG00000015951, ENSOCUG00000007593, METTL17, SLC39A2, NDRG2, TPPP2, RNASE13, ENSOCUG00000000652, ENSOCUG00000007106, ARHGEF40, ZNF219, TMEM253, ENSOCUG00000025483, HNRNPC, RPGRIP1, ENSOCUG00000010807, RF00026, RF00377, CHD8, RF00377, RAB2B, TOX4, METTL3, SALL2, OR10G3, ENSOCUG00000027618, ENSOCUG00000026014, OR4E2, OR4E1, TRAV4, ENSOCUG00000024959, ENSOCUG00000023623, ENSOCUG00000029288, ENSOCUG00000021336, ENSOCUG00000026103, ENSOCUG00000027537, ENSOCUG00000022557, ENSOCUG00000022166, ENSOCUG00000024777, ENSOCUG00000021518, ENSOCUG00000025917, RF00402, ENSOCUG00000027298, ENSOCUG00000027220, ENSOCUG00000027092, ENSOCUG00000027818, ENSOCUG00000024102, ENSOCUG00000029471,  |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Continuación de la tabla 4**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 9 | 17 | 41109517 | 42580820 | 5 | 66 | ENSOCUG00000023316, ENSOCUG00000021706, ENSOCUG00000021371, TRAV17, TRAV19, ENSOCUG00000027155, TRAV23DV6, TRAV24, ENSOCUG00000026467, ENSOCUG00000023049, ENSOCUG00000024472, ENSOCUG00000026811 |
| 10 | 17 | 71727345 | 73780319 | 16 | 19 | FERMT2, DDHD1, RF00100, ENSOCUG00000021983, ENSOCUG00000010333, RF00001, RF00015, BMP4, RF01210, CDKN3, GMFB, CGRRF1, SAMD4A, ENSOCUG00000025365, GCH1, WDHD1, RF00322, SOCS4, APK1IP1L |
| 11 | 19 | 51136019 | 52170486 | 2 | 5 | CEP112, RF00001, AXIN2, RGS9, GNA13 |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Tabla 5: Regiones genómicas relacionadas con el número de nacidos vivos, genes candidatos y número de SNPs significativos en esas regiones genómicas.**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 12 | 1 | 65134127 | 66134127 | 1 | 4 | RF00026, ENSOCUG00000026996, ENSOCUG00000024344, TLE4 |
| 13 | 11 | 78394913 | 79394913 | 1 | 4 | DIMT1, IPO11, LRRC70, RF00432 |
| 14 | 13 | 130356019 | 131356019 | 1 | 18 | EPHB2, C1QB, C1QC, C1QA, EPHA8, ZBTB40, WNT4, ENSOCUG00000009986, ENSOCUG00000027531, ENSOCUG00000011199, ENSOCUG00000029720, ENSOCUG00000015194, ENSOCUG00000025145, ENSOCUG00000025318, ENSOCUG00000027583, ENSOCUG00000024267, ENSOCUG00000027546, ENSOCUG00000025350 |
| 15 | 15 | 5078142 | 6194072 | 3 | 3 | FAM198B, RF00443, ENSOCUG00000016749 |
| 16 | 15 | 9704340 | 10980315 | 18 | 10 | TMEM131L, TLR2, RNF175, SFRP2, ENSOCUG00000010772, ENSOCUG00000024279, PLRG1, FGB, FGA, FGG |
| 8 | 17 | 26149432 | 27350206 | 5 | 12 | ENSOCUG00000022037, RF00410, ENSOCUG00000014347, BLOC1S6, ENSOCUG00000013499, SLC30A4, ENSOCUG00000029216, ENSOCUG00000025852, SPATA5L1, GATM, SHF, SLC28A2 |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Tabla 6: Regiones genómicas relacionadas con el peso de la camada, genes candidatos y número de SNPs significativos en esas regiones genómicas.**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 17 | 2 | 168015510 | 169015510 | 1 | 2 | OSR1, RF00001 |
| 18 | 3 | 11350866 | 13813763 | 17 | 15 | CCDC192, RF01210, SLC12A2, FBN2, ENSOCUG00000016731, SLC27A6, ISOC1, ENSOCUG00000021100, RF00100, RF00004, ADAMTS19, MINAR2, RF00408, ENSOCUG00000023069, ENSOCUG00000003824 |
| 19 | 3 | 14031893 | 17142568 | 9 | 42 | RF00020, HINT1, LYRM7, CDC42SE2, ENSOCUG00000003847, FNIP1, ENSOCUG00000002404, MEIKIN, ACSL6, CSF2, P4HA2, PDLIM4, SLC22A4, SLC22A5, IRF1, IL5, RAD50, IL13, IL4, RF00264, KIF3A, CCNI2, SEPT8, ENSOCUG00000025439, ENSOCUG00000029353, SHROOM1, GDF9, UQCRQ, LEAP2, AFF4, HSPA4, RF00568, FSTL4, LDHAL6B, ENSOCUG00000006233, C5orf15, VDAC1, ENSOCUG00000020012, TCF7, SKP1, PPP2CA, CDKL3 |
| 20 | 10 | 45906285 | 46953269 | 3 | 5 | ENSOCUG00000011065, ENSOCUG00000008449, VSTM2A, RF00100, RF01210 |
| 21 | 13 | 91736133 | 92751490 | 3 | 5 | LRRIQ3, ENSOCUG00000024057, RF00001, RF00026, RF00100 |
| 14 | 13 | 130198158 | 131198158 | 1 | 15 | KDM1A, LACTBL1, EPHB2, C1QB, C1QC, C1QA, EPHA8, ZBTB40, |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Continuación Tabla 6**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 14 | 13 | 130198158 | 131198158 | 1 | 15 | WNT4, ENSOCUG00000009986, ENSOCUG00000027531, ENSOCUG00000011199, ENSOCUG00000029720, ENSOCUG00000015194, ENSOCUG00000025145 |
| 22 | 15 | 6652715 | 7652715 | 1 | 4 | GRIA2, ENSOCUG00000003361, GLRB, PDGFC |
| 16 | 15 | 9764190 | 10764190 | 1 | 5 | TMEM131L, TLR2, RNF175, SFRP2, ENSOCUG00000010772 |
| 23 | 15 | 40798431 | 41812875 | 3 | 13 | ETNPPL, ENSOCUG00000011056, ENSOCUG00000029357, RF00429, ENSOCUG00000021006, RF00001, ENSOCUG00000024591, ENSOCUG00000024066, LEF1, HADH, CYP2U1, SGMS2, PAPSS1 |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Tabla 7: Regiones genómicas relacionadas con el número de gazapos vivos a la primera semana, genes candidatos y número de SNPs significativos en esas regiones genómicas.**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región  | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 18 | 3 | 12158070 | 13158070 | 1 | 7 | ENSOCUG00000016731, SLC27A6, ISOC1, ENSOCUG00000021100, RF00100, RF00004, ADAMTS19 |
| 2 | 6 | 3174600 | 4174600 | 1 | 2 | ENSOCUG00000012346, ENSOCUG00000023572 |
| 6 | 13 | 9533563 | 11370371 | 6 | 9 | RF00591, ENSOCUG00000024194, MIR153-2, ENSOCUG00000000064, UBE3C, ENSOCUG00000016044, ENSOCUG00000004071, LMBR1, RNF32 |
| 23 | 15 | 40798431 | 41900981 | 5 | 13 | ETNPPL, ENSOCUG00000011056, ENSOCUG00000029357, RF00429, ENSOCUG00000021006, RF00001, ENSOCUG00000024591, ENSOCUG00000024066, LEF1, HADH, CYP2U1, SGMS2, PAPSS1 |
| 11 | 19 | 51623444 | 55477663 | 6 | 21 | CEP112, AXIN2, RGS9, GNA13, AMZ2, SLC16A6, ARSG, RF00001, WIPI1, PRKAR1A, FAM20A, ABCA8, ENSOCUG00000027438, ABCA6, RF00001, ABCA5, ENSOCUG00000021439, MAP2K6, KCNJ16, KCNJ2, RF00001 |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**

**Tabla 8: Regiones genómicas relacionadas con el número de gazapos vivos al destete (28 días), genes candidatos y número de SNPs significativos en esas regiones genómicas.**

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Región | Cro | Inicio | Fin | Nº SNPs | Nº Genes | Genes Candidatos |
| 6 | 13 | 9458861 | 11370371 | 16 | 11 | RF00591, ENSOCUG00000024194, MIR153-2, ENSOCUG00000000064, UBE3C, ENSOCUG00000016044, ENSOCUG00000004071, LMBR1, RNF32 |
| 11 | 19 | 51623444 | 52682526 | 3 | 11 | CEP112, AXIN2, RGS9, GNA13, AMZ2, SLC16A6, ARSG, RF00001, WIPI1, PRKAR1A, FAM20A |

**Cro: cromosoma del conejo. Inicio y Fin: posición de la base de inicio y fin de la región estudiada. Genes candidatos son los genes anotados en esa región. Los genes nombrados con el prefijo ENSOCUG son genes desconocidos con el código de identificación del programa Ensembl.**