

ÍNDICE

RESUMEN

ABSTRACT

RESUM

LISTA DE FIGURAS

LISTA DE TABLAS

ABREVIATURAS

INTRODUCCIÓN	1
1. Poliaminas.....	2
1.1. Tipos y estructura	2
1.2. Metabolismo de las poliaminas	3
1.3. Funciones de las poliaminas	5
1.4. Poliaminas y cáncer	6
2. Cáncer.....	7
2.1. Rasgos distintivos	7
3. La transición epitelio-mesénquima.....	14
3.1. Cambios morfológicos y reorganización del citoesqueleto	15
3.2. Cambios en la expresión génica y proteica	17
3.3. Factores de transcripción que dirigen la EMT	18
3.4. EMT en condiciones fisiológicas normales y cáncer	22
4. El factor de traducción eIF5A.....	23
4.1. Descubrimiento y estructura	24
4.2. Isoformas de eIF5A	25
4.3. Expresión y localización celular de eIF5A	26
4.4. El aminoácido hipusina	28
4.4.1. Ruta de hipusinación	29
4.4.2. Importancia de la hipusinación	30

4.5. Función biológica	31
4.6. eIF5A y cáncer	34
OBJETIVOS	37
MATERIALES Y MÉTODOS	39
1. Ácidos nucleicos.....	40
1.1. ARN de interferencia	40
1.2. ADNs y plásmidos	40
1.3. Transformación de bacterias por choque térmico	41
1.4. Purificación del ADN	41
2. Cultivos celulares	42
2.1. Líneas celulares estables comerciales de CPNM	42
2.2. Generación de líneas celulares estables	42
2.2.1. Análisis de la capacidad proliferativa celular	43
2.3. Cultivo en adherencia de las líneas celulares	43
3. Ensayos celulares.....	44
3.1. Transfecciones transientes	44
3.2. Silenciamiento génico mediado por ARN pequeño de interferencia	45
3.3. Inducción de la EMT con TGF β 1	45
3.4. Inhibición farmacológica de eIF5A con GC7	45
4. Análisis de expresión génica.....	46
4.1. Extracción de ARN	46
4.2. Transcripción reversa	47
4.3. PCR cuantitativa en tiempo real (qPCR)	47
5. Análisis de expresión proteica.....	49
5.1. Preparación de extractos proteicos	49
5.2. Cuantificación de la concentración proteica	49
5.3. Western Blot	49
6. Análisis de la traducción celular.....	51
6.1. Perfiles polisomáticos	51

6.2. Ensayos de marcaje con puromicina	53
7. Análisis de imagen.....	53
7.1. Fijación del citoesqueleto	53
7.2. Inmunofluorescencia	54
8. Análisis celular.....	55
8.1. Citometría de flujo	55
8.2. Ensayos de proliferación	56
8.3. Ensayos de migración	56
9. Modelos experimentales <i>in vivo</i>	57
9.1. Animales de experimentación	57
9.2. Inyección subcutánea de células	58
9.3. Obtención de muestras	58
10. Análisis histológico de las muestras de modelo animal.....	58
10.1. Fijación en PFA	58
10.2. Inclusión en parafina y criopreservación	59
10.3. Obtención de cortes	59
10.4. Inmunofluorescencia	59
11. Análisis histológico de las muestras de biopsias de pacientes.....	60
11.1. Micromatrices de tejido (TMA) y técnicas de marcaje inmunohistoquímico	60
12. Análisis estadísticos.....	61
RESULTADOS	63
1. Clasificación fenotípica de las líneas celulares A549, H1395, PC9 y H441.....	64
2. Estudio de la inhibición génica de eIF5A1 y eIF5A2.....	68
2.1. El silenciamiento génico de eIF5A es específico de cada isoforma y existe una regulación entre ambas	68
2.2. El silenciamiento génico de <i>EIF5A2</i> disminuye la proliferación celular	71
2.3. El silenciamiento génico de <i>EIF5A2</i> inhibe el cambio de la morfología celular en la EMT inducida por TGF β 1	72
2.4. El silenciamiento génico de eIF5A2 inhibe la migración celular	73

2.5. El silenciamiento génico de <i>EIF5A2</i> en presencia de TGF β 1 disminuye la expresión de marcadores de tipo mesenquimal	76
2.6. El silenciamiento génico de <i>EIF5A2</i> en presencia de TGF β 1 disminuye la expresión de proteínas implicadas en la EMT	78
2.7. El silenciamiento génico de eIF5A2 provoca la rotura de los filamentos de actina y su acumulación en nudos	83
3. Estudio de la sobreexpresión constitutiva de eIF5A.....	84
3.1. Generación de las líneas estables H1395-EV y H1395-eIF5A2	85
3.2. La sobreexpresión de eIF5A2 aumenta la proliferación celular	89
3.3. La sobreexpresión de eIF5A2 induce la migración celular	92
3.4. Efecto del tratamiento con TGF β 1	93
3.4.1. El tratamiento con TGF β 1 induce la expresión de eIF5A2 y eIF5A2 hipusinado	93
3.4.2. El tratamiento con TGF β 1 aumenta la expresión de algunos marcadores de fenotipo mesenquimal en las células H1395-eIF5A2	96
3.4.3. El tratamiento con TGF β 1 aumenta la expresión de proteínas involucradas en la EMT en las células H1395-eIF5A2	98
3.5. Efecto de la inhibición farmacológica con GC7, solo o en combinación con TGF β 1	100
3.5.1. La inhibición farmacológica con GC7 inhibe la expresión de eIF5A y eIF5A-Hip	101
3.5.2. El tratamiento con GC7 inhibe la expresión de marcadores de fenotipo mesenquimal en las células H1395-eIF5A2	103
3.5.3. El tratamiento con GC7 inhibe la expresión de proteínas involucradas en la EMT en las células H1395-eIF5A2	105
3.6. El tratamiento con TGF β 1 induce la localización en la membrana plasmática de eIF5A2-Hip	108
4. Papel de eIF5A2 en la traducción de proteínas	109
4.1. La sobreexpresión de eIF5A2 aumenta la cantidad de polisomas en las células ..	110
4.2. eIF5A2-Hip colocaliza con puromicina en puntos de traducción activos	111

5. Estudio de eIF5A2 <i>in vivo</i> en modelos de xenotrasplante en ratón	114
5.1. La sobreexpresión de eIF5A2 promueve la formación de masas de células metastásicas	114
6. Expresión de eIF5A2 en muestras de pacientes de CPNM	116
DISCUSIÓN	125
1. Características fenotípicas de las líneas de CPNM estudiadas.....	126
2. Inhibición génica de eIF5A.....	126
3. Efecto del tratamiento con TGF β 1 sobre la expresión de eIF5A.....	128
4. Papel de eIF5A2 en la señalización por TGF β 1.....	130
5. La inhibición de eIF5A2 mediante GC7 como posible diana terapéutica.....	134
6. Modelos experimentales <i>in vivo</i> para el estudio de la función de eIF5A.....	135
7. Relación de eIF5A2 con la maquinaria de traducción.....	137
8. Modelo de acción y perspectivas futuras.....	138
CONCLUSIONES	141
BIBLIOGRAFÍA	145
CONTRIBUCIONES	169
ANEXO	175