

ANEXO

A. Grado de relación del trabajo con los ODS

Tabla A1. Grado de relación del trabajo con los Objetivos de Desarrollo Sostenible (ODS).

Objetivos de Desarrollo Sostenibles	Alto	Medio	Bajo	No Procede
ODS 1. Fin de la pobreza				x
ODS 2. Hambre cero				x
ODS 3. Salud y bienestar	x			
ODS 4. Educación de calidad				x
ODS 5. Igualdad de género				x
ODS 6. Agua limpia y saneamiento	x			
ODS 7. Energía asequible y no contaminante				x
ODS 8. Trabajo decente y crecimiento económico				x
ODS 9. Industria, innovación e infraestructuras				x
ODS 10. Reducción de las desigualdades				x
ODS 11. Ciudades y comunidades sostenibles				x
ODS 12. Producción y consumo responsables	x			
ODS 13. Acción por el clima			x	
ODS 14. Vida submarina	x			
ODS 15. Vida de ecosistemas terrestres		x		
ODS 16. Paz, justicia e instituciones sólidas				x
ODS 17. Alianzas para lograr objetivos				x

B. Ubicación de los puntos de muestreo

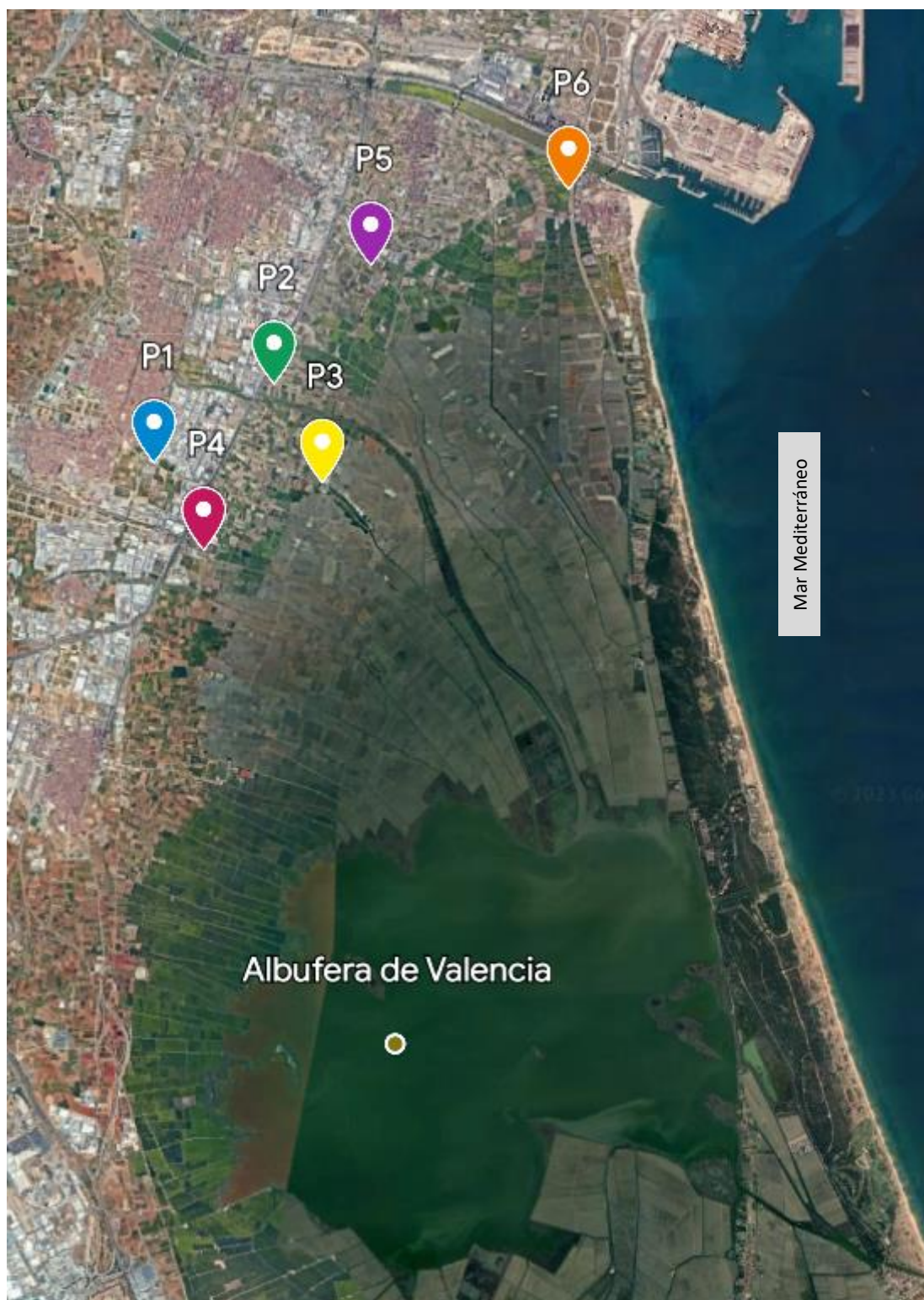


Figura B1. Ubicación de los puntos de muestreo respecto de La Albufera



Figura B2. Ubicación de los puntos de muestreo

C. Resultados de la identificación molecular de los aislados

Tabla C2. Resultados de la identificación molecular de los aislados

Aislado	Identificación	(%)	Acceso
M1-2 S	Klebsiella pneumoniae strain RHB39-C09 chromosome, complete genome	99,53%	CP057069.1
M1-E1	Acinetobacter baumannii strain L5-4 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	98,80%	MZ935668.1
M1-E2	Acinetobacter baumannii strain E47 chromosome, complete genome	99,72%	CP042556.1
M1-E2 R	Acinetobacter baumannii strain MS14413 chromosome, complete genome	99,53%	CP054302.1
M1-E3	Acinetobacter baumannii strain st10 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	98,90%	MF102141.1
M1-4 E	Serratia fonticola DSM 22080 strain C1 16S ribosomal RNA, partial sequence	99,71%	NR_116808.1
M2-E3	Acinetobacter baumannii strain EGA65 chromosome, complete genome	99,71%	CP125223.1
M3-E2	Acinetobacter pittii strain A1254 chromosome, complete genome	98,37%	CP049806.1
M3-1B E	Acinetobacter calcoaceticus strain 98028-a6 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	99,14%	MH828296.1
M3-1A E R	Leclercia adecarboxylata strain PDW982 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	99,25%	MZ642653.1
M3-2 E R	Klebsiella pneumoniae strain MO2 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	99,72%	MH588166.1
M3-S3 R	Klebsiella pneumoniae strain 79 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	98,88%	MZ389289.1
M4-E1	Serratia fonticola strain GS2 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	99,10%	MK235160.1
M6-1 E	Raoultella ornithinolytica strain 4625 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	98,88%	MT545114.1
M4-1A E R	Acinetobacter pittii strain IIF1SW-B2 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	98,44%	KY218840.1
M4-E2 R	Acinetobacter pittii strain L3/3 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	99,63%	MT378403.1
M6-E2	Acinetobacter baumannii strain S-X9A 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	99,18%	KJ806391.1
M6-S	Klebsiella pneumoniae strain kp9 16S ribosomal RNA gene, partial sequence	98,99%	MH843093.1