

TABLA DE CONTENIDOS

| | |
|--|--------------------------------------|
| AGRADECIMIENTOS..... | vii |
| RESUMEN..... | xvi |
| Resumen..... | xviii |
| Abstract..... | xxi |
| Resum..... | xxvii |
| TABLA DE CONTENIDOS..... | xxxv |
| LISTA DE FIGURAS..... | xxxix |
| LISTA DE TABLAS..... | xliii |
| ABREVIATURAS..... | xlv |
| INTRODUCCIÓN..... | ¡Error! Marcador no definido. |
| 1. Enfermedades asociadas a expansiones de microsatélites..... | 4 |
| 2. Enfermedades asociadas a expansiones de poliQs | 7 |
| 3. Fuentes de toxicidad en enfermedades causadas por poliQs..... | 12 |
| 3.1 Toxicidad mediada por ARN con tripletes CAG | 14 |
| 3.2 Proteotoxicidad asociada a poliQs | 17 |
| 3.3 Péptidos RAN | 19 |
| 4. Modelos de toxicidad inducida por poliQs en <i>C. elegans</i> | 21 |
| 5. Moduladores de la agregación de poliQs en <i>C. elegans</i> | 24 |
| 5.1. AMPK como diana terapéutica contra la EH | 25 |
| 5.2. Receptores nucleares..... | 28 |
| 5.2.1 Señalización endocrina en <i>C. elegans</i> | 29 |
| 5.2.2 Metabolismo lipídico en <i>C. elegans</i> | 30 |
| 5.2.3 Receptores nucleares como reguladores del metabolismo lipídico | 34 |
| HIPÓTESIS Y OBJETIVOS..... | ¡Error! Marcador no definido. |
| MATERIAL Y MÉTODOS | ¡Error! Marcador no definido. |
| 1. Metodología | 40 |
| 1.1 Cultivo y mantenimiento de <i>C. elegans</i> | 40 |
| 1.2 Lisado de gusanos para obtener ADN genómico..... | 40 |
| 1.3 Genotipado de mutantes y transgénicos | 41 |

Tabla de contenidos

| | |
|---|-----------|
| 1.4 Sincronización de gusanos..... | 43 |
| 1.5 Diseño <i>in silico</i> de construcciones complejas con tripletes CAG..... | 43 |
| 1.6 Manipulación de secuencias con tripletes CAG para generar construcciones de interés | 45 |
| 1.7 Sistema Gateway para generar vectores de expresión génica en <i>C. elegans</i> | 47 |
| 1.8 Generación de cepas transgénicas con inserciones en sitios definidos mediante la tecnología MosSCI | 54 |
| 1.9 Generación de cepas transgénicas con múltiples copias no integradas..... | 56 |
| 1.10 Generación de mutantes de pérdida de función mediante el sistema CRISPR/Cas9..... | 57 |
| 1.11 Interferencia por ARN (ARNi) inducido por la dieta mediante la cepa de <i>E. coli</i> HT115 | 64 |
| 1.12 Generación de construcciones mediante PCR de fusión | 66 |
| 1.13 Análisis de expresión génica por PCR a tiempo real | 68 |
| 1.14 Cuantificación de poliQs mediante Western Blot | 69 |
| 1.15 Cultivo en medio líquido de <i>C. elegans</i> | 70 |
| 1.16 Tinciones con colorantes X-34 y Oil Red O | 71 |
| 1.17 Tratamiento con ácido oleico..... | 72 |
| 1.18 Rastreo de compuestos con alto potencial terapéutico en modelos de toxicidad por ARN..... | 72 |
| 1.19 Análisis del transcriptoma | 73 |
| 1.20 Ensayo de lipidómica | 74 |
| 1.21 Análisis de la respuesta al tacto en gusanos con neuronas mecanosensoriales estresadas por poliQs..... | 75 |
| 1.22 Recuento de cuerpos de inclusión de poliQs::YFP en células musculares y en neuronas | 76 |
| 1.23 Recuento de agregados α -sinucleína::YFP en células musculares..... | 77 |
| 1.24 Recuento de agregados de β -amiloide en células musculares | 77 |
| 1.25 Ensayo de motilidad en medio líquido..... | 78 |
| 1.26 Análisis estadístico..... | 78 |
| 1.27 Imágenes por microscopía | 79 |
| 1.28 Cribado de genes al azar por mutagénesis química: Aislamiento de la mutación <i>unc-1(vlt10)</i> | 79 |
| 2. Materiales y soluciones | 81 |
| 2.1 Medio de crecimiento de los nematodos (NGM) | 81 |
| 2.2 Solución M9 1X | 81 |
| 2.3 Tampón de lisis..... | 81 |
| 2.4 Solución de sincronización | 81 |
| 2.5 Solución de congelación de <i>C. elegans</i> | 82 |
| 2.6 LB líquido y sólido | 82 |
| 2.7 Solución PBS-T 1X y tampón de bloqueo | 82 |
| RESULTADOS..... | 84 |
| <u>Capítulo I.</u> Desarrollo de modelos de toxicidad por ARN con tripletes CAG para la identificación de péptidos RAN y moléculas con potencial terapéutico en <i>C. elegans</i> | 86 |
| I.1 Generación de modelos de toxicidad por ARN en <i>C. elegans</i> | 87 |
| I.2 La expresión de múltiples copias del transgén con tripletes CAG en neuronas GABAérgicas altera la capacidad motora de forma sustancial | 92 |
| I.3 Detección de moléculas potenciales frente a la toxicidad asociada a transcritos CAG en neuronas GABAérgicas | 94 |
| I.4 Investigación de la presencia de péptidos RAN en modelos de expansiones CAG en <i>C. elegans</i> | 98 |

Tabla de contenidos

| | |
|--|-----|
| I.5 La expresión de tripletes CAG sin ATG de inicio empleando un promotor ubicuo produce péptidos | 98 |
| I.6 Detección <i>in vivo</i> de acúmulos raros en hipodermis de modelos de traducción RAN | 102 |
| Capítulo II: La activación sinérgica de AMPK previene la toxicidad inducida por poliglutaminas en <i>C. elegans</i> | 106 |
| II.1 La metformina y el salicilato actúan de manera sinérgica para reducir la toxicidad asociada a poliQs..... | 107 |
| II.2 La modulación de la agregación de poliQs ejercida por metformina y salicilato requiere de la función catalítica de AMPK..... | 115 |
| II.3 El mecanismo de reducción de la agregación de poliQs, mediado por metformina y salicilato, involucra la función de AMPK β 2..... | 118 |
| II.4 La neuroprotección de metformina y salicilato es dependiente de AMPK α 2..... | 121 |
| II.5 La autofagia es necesaria para la función protectora de la metformina y el salicilato para modular la agregación de poliQs..... | 123 |
| II.6 El tratamiento con metformina y salicilato reduce la agregación de la α -sinucleína y mejora la función motora de estos animales | 126 |
| Capítulo III. Diferentes vías de señalización hormonal modulan de manera opuesta la homeostasis de proteínas a través de cambios en el metabolismo lipídico..... | 132 |
| III.1 Identificación de <i>unc-1</i> como un modulador de la agregación de poliQs | 132 |
| III.2 La supresión de <i>unc-1/STOML3</i> aumenta la formación de cuerpos de inclusión de poliQs | 137 |
| III.3 <i>unc-1(vlt10)</i> modifica el fenotipo de agregación de proteínas α -sinucleína y β -amiloide | 140 |
| III.4 <i>unc-1</i> es requerido en el sistema nervioso para modular la homeostasis de proteínas en células musculares | 142 |
| III.5 La sinapsis eléctrica modula selectivamente el patrón de agregación de poliQs.... | 147 |
| III.6 La supresión de la sulfotransferasa SSU-1 rescata el fenotipo de agregación asociado a <i>unc-1(vlt10)</i> | 151 |
| III.7 <i>unc-1</i> regula la sinapsis eléctrica entre las neuronas IL2 y ASJ para modular la agregación de poliQs en células musculares..... | 153 |
| III.8 La actividad de arilsulfatasas modula la dinámica de agregación de poliQs..... | 156 |
| III.9 El receptor nuclear DAF-12 modula la homeostasis de proteínas..... | 158 |
| III.10 El receptor nuclear NHR-1 modula la homeostasis de proteínas | 162 |
| III.11 NHR-1 reduce el estrés asociado a mutaciones en <i>unc-1</i> | 166 |
| III.12 NHR-1 y DAF-12 modulan la homeostasis de proteínas de forma opuesta | 168 |
| III.13 NHR-1 regula genes del metabolismo lipídico para modular la homeostasis de proteínas | 170 |
| III.14 El análisis de lipidómica de los mutantes <i>unc-1</i> muestra que acumulan especies grasas | 179 |
| DISCUSIÓN..... | 184 |
| Capítulo I. Desarrollo de modelos de toxicidad por ARN con tripletes CAG para la identificación de péptidos RAN y moléculas con potencial terapéutico en <i>C. elegans</i> | 186 |
| I.1 Modelización de péptidos RAN en <i>C. elegans</i> | 187 |
| I.2 Modelización de toxicidad asociada a transcritos CAG..... | 188 |
| Capítulo II: La activación sinérgica de AMPK previene la toxicidad inducida por poliglutaminas en <i>C. elegans</i> | 192 |
| II.1 Metformina y salicilato actúan sinérgicamente para reducir el estrés inducido por poliQs | 192 |
| II.2 La protección celular mediada por la sinergia metformina y salicilato es dependiente de AMPK α 2 y AMPK β 2..... | 193 |

Tabla de contenidos

| | |
|---|------------|
| II.3 La activación de la autofagia es requerida para promover el efecto protector mediante el tratamiento sinérgico..... | 196 |
| II.4 La metformina y el salicilato podrían funcionar contra otras enfermedades neurodegenerativas..... | 198 |
| Capítulo III. Diferentes vías de señalización hormonal modulan de manera opuesta la homeostasis de proteínas a través de cambios en el metabolismo lipídico..... | 200 |
| III.1 La disruptión de determinadas sinapsis eléctricas modula la homeostasis de proteínas | 200 |
| III.2 La disruptión de unc-1 perturba la señalización neurohormonal mediada por SSU-1 y NHR-1 y desequilibra la homeostasis de proteínas | 203 |
| III.3 NHR-1 induce una remodelación del metabolismo lipídico para promover un desequilibrio de la homeostasis de proteínas | 206 |
| III.4 DAF-12 y NHR-1 modulan la agregación de poliQs mediante señales opuestas..... | 212 |
| III.5 Moduladores de la señalización hormonal como dianas terapéuticas | 215 |
| CONCLUSIONES | 218 |
| ANEXOS..... | 224 |
| REFERENCIAS | 254 |