

## RESUM

El càncer de pulmó és un dels principals problemes de salut del món, és una malaltia freqüent, greu i amb una incidència en augment. A aquestes característiques s'hi afegeix la complexitat del seu tractament ---cirurgia, quimioteràpia i radioteràpia---, que a més d'agressiu i habitualment costós, necessita la col.laboració organitzada de nombrosos professionals. En aquest sentit de l'atenció integral al pacient oncològic, l'aportació de la biologia molecular amb nous conceptes i reptes com la oncofarmacogenètica i oncofarmacogenòmica ha permès no només el desenvolupament de fàrmacs utilitzant biomarcadors per predir la resposta, sinó també l'anàlisi del comportament de les cèl.lules tumorals, l'estudi de mutacions de gens, polimorfismes, metilacions, etc., estudis anatomopatològics més precisos i la individualització del tractament gràcies al millor coneixement dels factors pronòstics i sobretot dels factors predictius de resposta.

En el nostre treball hem tractat d'identificar marcadors moleculars en sang perifèrica de pacients amb càncer no microcític de pulmó en estadis localment---avançat i/o metastàtics no només per conèixer i poder predir l'evolució i pronòstic de la malaltia com l'anàlisi d'EGFR, VEGF i inactivació de p16, sinó per a adequar la millor opció de tractament de forma individualitzada i aconseguir altes taxes d'eficàcia i mínima toxicitat.